

理化学研究所

タンパク質結晶に分子を閉じ込め反応過程を可視化

-X線自由電子レーザーと量子化学計算による高精度解析-

【要点】

○化学反応中の分子の構造変化をリアルタイムかつ原子レベルで追跡することに成功。
○タンパク質結晶の中に、反応が起こる「場」を作り出し、溶液中のような状態を再現。
○さまざまな化合物が引き起こす化学反応を可視化し、新しい分子の機能を設計するための開発ツールとして期待。

【概要】

東京工業大学 生命理工学院 生命理工学系のマイティ・バスデブ特任助教と上野隆史 教授(兼 同 科学技術創成研究院 自律システム材料学研究センター)のグループは、東 北大学 多元物質科学研究所の南後恵理子教授(兼 理化学研究所 放射光科学研究センタ ー チームリーダー)、筑波大学 計算科学研究センターの庄司光男教授らの研究グループ と共同で、化学反応性を持つ金属錯体(用語1)をタンパク質結晶(用語2)に固定化し、 X線自由電子レーザー(XFEL)(用語3)と量子古典混合(QM/MM)計算(用語4) を用いて化学反応中の金属錯体の構造変化をナノ秒レベルで原子分解能追跡し、反応機 構を解明する技術を開発した。

人工分子反応(用語5)の追跡手法は多数報告されているが、反応の際に生じる活性種の構造変化を実時間・原子レベルで追跡することは困難であった。本研究では、タンパク 質結晶の細孔中に水分子が多く存在することに着目し、あたかも溶液中のようなタンパ ク質環境に金属錯体のマンガンカルボニル錯体(Mn(CO)₃)を固定化し、結晶を保持し ながら光照射で金属-CO結合の開裂反応を駆動させることに成功した。XFELを用いて、 Mn(CO)₃ 錯体を固定化した**リゾチーム結晶**(用語6)へ光を照射し、反応開始後のわず かな時間(10ナノ秒、100ナノ秒、1マイクロ秒後)の構造変化を観察した。この結果、 CO配位子が選択的に順次解離していくことが明らかになった。さらに、QM/MM計算 により、リゾチームのタンパク質環境によって反応が制御されていることを明らかにし た。安定なタンパク質結晶の細孔を利用したこの手法は、さまざまな低分子化合物が起こ す化学反応を可視化し、反応機構を理解するための基盤技術として、「有用な分子触媒の 設計」や「複雑な分子反応メカニズムの理解」へ貢献すると期待される。

本成果は、自然科学分野の学術誌「*Nature Communications*(ネイチャーコミュニケー ションズ)」のオンライン版で6月29日(現地時間)に公開された。

●背景

化学反応において短寿命の中間構造を決定することは、その反応メカニズムの理解が 重要である。しかしながら、分光学的手法によって過渡的な活性種の形成を検出する手法 はあるものの、その中間構造を決定し原子レベルで構造変化を追跡することは困難であ った。一方で、近年、X線自由電子レーザー(XFEL)による時分割連続フェムト秒結晶 構造解析(TR-SFX)法(用語7)を用いた三次元立体構造解析によって、タンパク質の 構造変化をコマ送り動画のように捉える技術が開発されつつある。この手法は、これまで 天然のタンパク質や酵素の構造変化の観察に適用されることが多く、合成金属錯体など の低分子化合物によって促進される化学反応への応用は困難であった。その理由は、低分 子化合物の場合、反応の際に大きな構造変化が起こりにくいこと、また構造データが得ら れにくいためである。そこで、研究グループは、タンパク質結晶を合成金属錯体の反応場 として用いることにより、化学反応による合成金属錯体の構造変化を追跡できると考え、 タンパク質結晶内に固定化した金属錯体の光励起反応の中間構造を TR-SFX 法で決定す ることにより、反応過程の構造変化の直接観察を試みた(図1)。



●研究成果

本研究グループは、光照射により一酸化炭素(CO)を放出するマンガンカルボニル (Mn(CO)₃) 錯体を多孔性のニワトリ卵白リゾチーム(HEWL) 結晶に固定化し、CO 放 出反応中の金属錯体の構造変化を TR-SFX 法によって直接リアルタイムで観察すること に成功した。

光照射による反応が結晶内で均一に起こることや、効率よく XFEL 測定を行うことを 考慮すると、長時間測定のためにサイズが $20 \mu m$ 未満の微結晶が大量に必要となる。本 構造解析では、5-10 μ m サイズのリゾチーム正方晶結晶を鋳型結晶とし、合成した結晶 を Mn(CO)₃錯体溶液に浸漬させることで Mn(CO)₃と HEWL の複合体を調製すること を検討した。正方晶はバルクスケールで 10 分以内に結晶を大量に合成することができ、 内部に 2.2 nm の細孔空間が存在する。合成した Mn(CO)₃-HEWL 複合体の X 線構造解 析の結果、Mn(CO)₃錯体は細孔表面に位置するアミノ酸 His15 に配位固定化しているこ とが分かった (図 2)。



図 2. Mn(CO)₃-HEWL 複合体の結晶構造

次に、Mn 錯体の光励起化学反応の構造変化を直接観察するため、X 線自由電子レーザ ー(XFEL)施設 SACLA(用語 8)でナノ秒ポンプレーザーを用い、365 nm の紫外光を 結晶に照射し、Mn(CO)₃錯体から CO を放出させた。光を照射後、10 ナノ秒から 1 マイ クロ秒後に XFEL による回折実験を行い、コマ送り撮影のように Mn(CO)₃錯体から CO が放出される過程の中間構造を観察した。Mn(CO)₃錯体は、光照射前はリゾチーム結晶 内で 3 つの CO リガンドと 2 つの水分子が配位し、八面体の配位構造を有している(図 2)。光照射中の一連の構造解析の結果、アキシャル位の CO 配位子が最初に放出され、 Mn ビスカルボニル種が中間体として観察された。その後、エカトリアル (eq1) に位置 する CO 配位子が放出され、最終的には、3 つの CO が放出され、Mn 錯体も放出された。 さらに、反応中に起こるタンパク質の側鎖の関与とその構造変化についても可視化する ことができた(図 3)。

実験的に観測された Mn 錯体の CO 放出の詳細を明らかにするために、量子古典混合 (QM/MM)計算を行った。光照射前のリゾチーム結晶内の Mn(CO)₃(H₂O)₂の構造を用 いて QM/MM モデルを構築したところ、Mn に配位している 3 つの CO の周辺にリゾチ

ームのアミノ酸残基があることで、CO と水分子の交換反応が配位位置によって変わり、 選択的反応が起きることを明らかにした。さらに、TR-SFX 法で直接観測した構造が主反 応経路上にあることを示した。

Flow of microcrystals 10 Hz (Laser pulse rate) 30 Hz (XFEL pulse rate) Pump laser pulse <mark>∆t</mark> Time Dark1 Dark2 XFEL pulse $\Delta t = Delay time$ (10 ns, 100 ns, 1 µs) Nozzle Detector

本実験によるTR-FSXを用いた実験手法

His15に固定化したMn(CO)3錯体のCO放出過程の様子



COax、COeg1、COeg2の順にCOが放出され水分子と 交換される様子を結晶構造として直接観察

図 3. リゾチーム結晶に固定化した Mn(CO)3 錯体の CO 放出過程の直接観察

●今後の展開

化学反応における低分子化合物の構造変化追跡のために、安定なタンパク質結晶の細 孔空間を利用した本研究チームのアプローチは、低分子化合物による活性中心の構造ダ イナミクスを実時間・実空間・原子レベルで可視化することができる。今後は、この手法 を用いることで、光照射による化学反応だけでなく、金属触媒をタンパク質結晶に固定化 した人工金属酵素内部で駆動する触媒反応の中間体構造の追跡など、より複雑な反応過 程の直接観察へとつながり、触媒開発や医薬品設計など広範囲な応用が期待できる。

●社会的インパクト

化学反応を高速で追跡する手法は、これまでも開発されてきたが、原子レベルの分解能 では達成されてこなかった。原子レベルでの反応過程の追跡のためには立体構造解析が 必要不可欠だが、合成化合物の構造変化を直接観察することは困難であった。本研究は、 高い結晶性を有するタンパク質結晶に金属錯体を固定化することで、金属錯体の化学反 応過程を立体構造変化として観察することに成功した。本手法は、合成化合物による触媒 反応から、クラスター形成、超分子反応まで、これまでの方法では不可能とされてきた化 学反応追跡も実現できることから大きな社会的インパクトを持つと言える。

●付記

本成果は、文部科学省 科学研究費助成事業(JP19H05781、JP19H05776、JP23H04879、 JP20H05438、JP22H04744、JP23K04928、JP18H05421、JP22H00347)、国立研究開発 法人日本医療研究開発機構(AMED)創薬等ライフサイエンス研究支援基盤事業創薬等 先端技術支援基盤プラットフォーム(BINDS)(JP21am0101070)、JST 戦略的創造研究 推進事業 CREST (JPMJCR20B3)の支援によるものである。

【用語説明】

- (1) 金属錯体:金属イオンが有機分子と結合した構造を持つ化合物。
- (2) タンパク質結晶:タンパク質分子が規則正しく3次元に配列した固体の集合体。 タンパク質結晶のX線回折の強度を解析することにより、タンパク質の3次元立 体構造を決定することができる。
- (3) X線自由電子レーザー(XFEL):X線領域の波長を持つレーザーであり、フェムト秒(1,000兆分の1秒)レベルの非常に短いパルス幅を持つ。XFELはX-ray Free Electron Laserの略。
- (4) **量子古典混合(QM/MM)計算**:化学反応が起こる領域は精度の高い量子力学(QM) 計算で扱い、それ以外の部分は分子力学(MM)計算を適用する計算手法。
- (5) **人工分子反応**:人工合成分子によって設計された化学反応、生体内では不可能な 化学反応を行うことができる。
- (6) リゾチーム結晶:加水分解酵素であるリゾチームが3次元に集積した結晶状集合体。結晶化条件により、正方晶、斜方晶、単斜晶など異なる空間群の結晶をつくりわけ、微小結晶を大量に合成することができる。
- (7) 時分割連続フェムト秒結晶構造解析(TR-SFX)法:結晶中の分子の微細な動き を高い時間分解能で観察する手法。構造変化を引き起こすレーザー光を結晶に与 え、一定の遅延時間で X 線自由レーザーによる測定を行うことで、結晶内のタン パク質構造変化を追跡できる。TR-SFX は、Time-Resolved Serial Femtosecond Xray crystallographyの略。
- (8) X線自由電子レーザー(XFEL)施設 SACLA:理化学研究所と高輝度光科学研究 センターが共同で建設した日本の XFEL 施設。SACLA(サクラ)は、SPring-8 Angstrom Compact free electron LAser に由来する施設の愛称。SPring-8の10億 倍明るいX線を、10フェムト秒未満のパルス時間内で提供する。照射時間が短い ため、試料の損傷によるタンパク質の構造変化が起こる前に回折像を撮影するこ とができる。

【論文情報】

掲載誌:Nature Communications

- 論文タイトル: Real-time observation of a metal complex-driven reaction intermediate using a porous protein crystal and serial femtosecond crystallography
- 著者: Basudev Maity, Mitsuo Shoji, Fangjia Luo, Takanori Nakane, Satoshi Abe, Shigeki Owada, Jungmin Kang, Kensuke Tono, Rie Tanaka, Thuc Toan Pham, Mariko Kojima, Yuki Hishikawa, Junko Tanaka, Jiaxin Tian, Misaki Nagama, Taiga Suzuki, Hiroki Noya, Yuto Nakasuji, Asuka Asanuma, Xinchen Yao, So Iwata, Yasuteru Shigeta, Eriko Nango, Takafumi Ueno
- DOI: 10.1038/s41467-024-49814-9

【問い合わせ先】

東京工業大学 生命理工学院 生命理工学系/同 科学技術創成研究院 自律システム材料 学研究センター 教授 上野隆史 〒226-8501 神奈川県横浜市緑区長津田町 4259 Email: tueno@bio.titech.ac.jp TEL: 045-924-5844

【取材申し込み先】

東京工業大学 総務部 広報課 Email: media@jim.titech.ac.jp TEL: 03-5734-2975 FAX: 03-5734-3661

東北大学 多元物質科学研究所 広報情報室 Email: press.tagen@grp.tohoku.ac.jp

筑波大学 計算科学研究センター 広報・戦略室 E-mail: pr@ccs.tsukuba.ac.jp TEL: 029-853-6260

理化学研究所 広報室 報道担当 Email: ex-press@ml.riken.jp TEL: 050-3495-0247